PROCEDIMENTO OPERACIONAL PADRÃO (POP)

PROCEDIMENTO OPERACIONAL PADRÃO (POP) PARA RODAR SCRIPT R DE INCONSISTÊNCIAS DENGUE

SUS

SUV
Superintendência de Vigilância em Saúde

DIVE
Diretoria de Vigilância Epidemiológica

SUMÁRIO

Objetivo.....**3**

Execução do Script R para Identificação de Inconsistências em Dados de Dengue.....**4**

1. Instalação do R.....4
2. Instalação do RStudio.....5
3. Download do Script.....5
4. Preparação da Base de Dados.....6
5. Configuração do Caminho de Acesso.....7
6. Substituição do Nome de Usuário no Script.....8
7. Execução do Script.....9
8. Arquivos Gerados.....10
9. Interpretação dos Resultados.....11
10. Documentação Complementar.....11

OBJETIVO

Este Procedimento Operacional Padrão (POP) tem como objetivo orientar os profissionais na utilização do script desenvolvido pela Gerência de Zoonoses (GEZOO) para identificação e compilação de inconsistências em bancos de dados de dengue.

Este documento apresenta exclusivamente o passo a passo necessário para execução do script. Para utilização de funcionalidades avançadas ou desenvolvimento de análises adicionais em linguagem R, recomenda-se a realização de capacitações específicas na ferramenta.

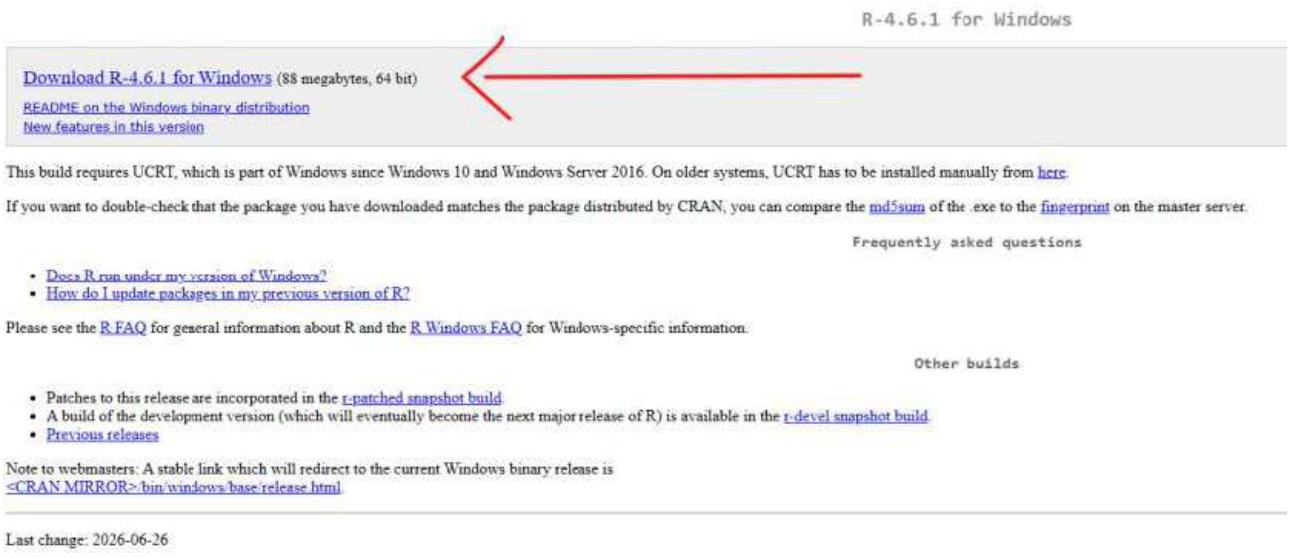
EXECUÇÃO DO SCRIPT R PARA IDENTIFICAÇÃO DE INCONSISTÊNCIAS EM DADOS DE DENGUE

1. Instalação do R

Acesse o site oficial do R e faça o download da versão mais recente disponível:
https://cran.r-project.org/bin/windows/base/

> **Observação:** A versão disponível poderá variar conforme a data de acesso. Em 14/07/2026, a versão mais recente era a 4.6.1.

Clique em **"Download R-4.6.1 for Windows"** (ou na versão mais atual disponível) e conclua a instalação do programa.



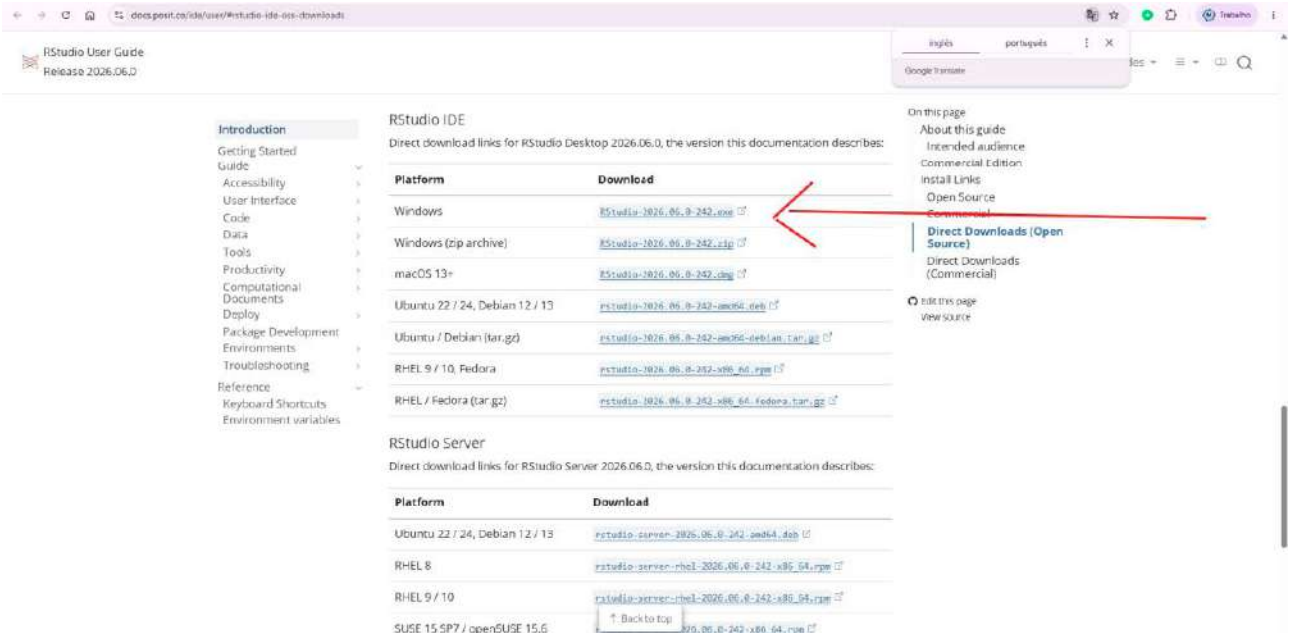
Clique em Download R-4.6.1 for Windows (88 megabytes, 64 bit) e instale o programa.

2 - Instalação do RStudio

Após instalar o R, é necessário instalar o ambiente de desenvolvimento RStudio.

Acesse: https://docs.posit.co/ide/user/#rstudio-ide-oss-downloads

Selecione e faça o download da versão compatível com o seu sistema operacional (Windows, macOS ou Linux) e realize a instalação.

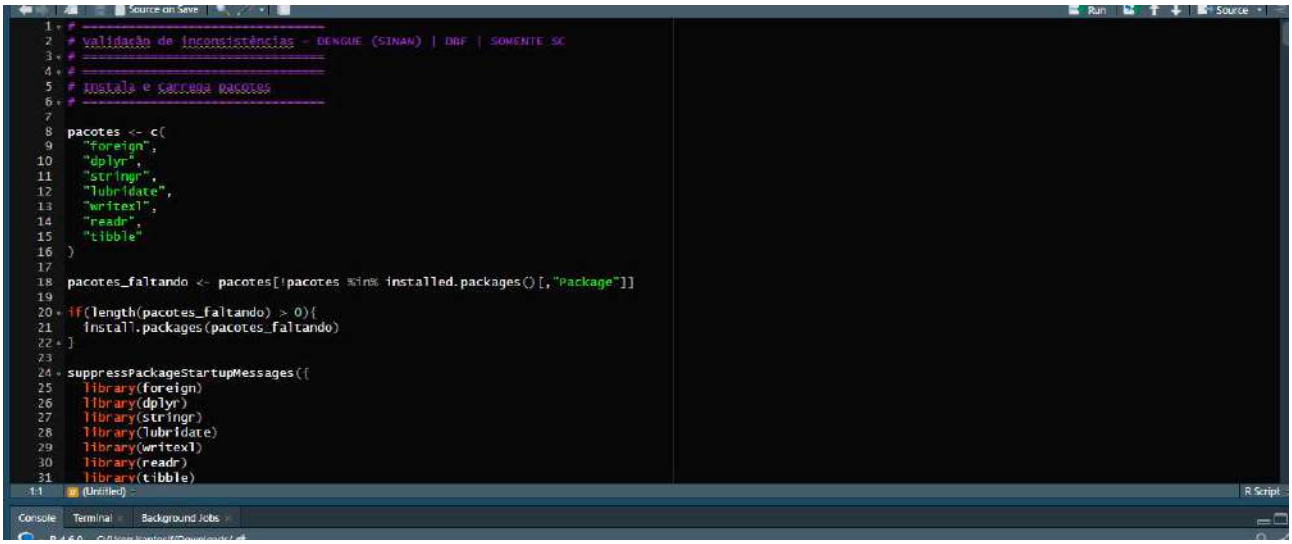


3. Download do Script

Após instalar os programas, faça o download do script disponibilizado pela GEZOO no Google Drive: https://drive.google.com/drive/folders/1LweY6klTrXlm22DBrJhhuPzS38lQhd8s?usp=sharing

Baixe o arquivo: Inconsistências Dengue (Script remanejado).R

Após o download, abra o arquivo com o RStudio.



4. Preparação da Base de Dados

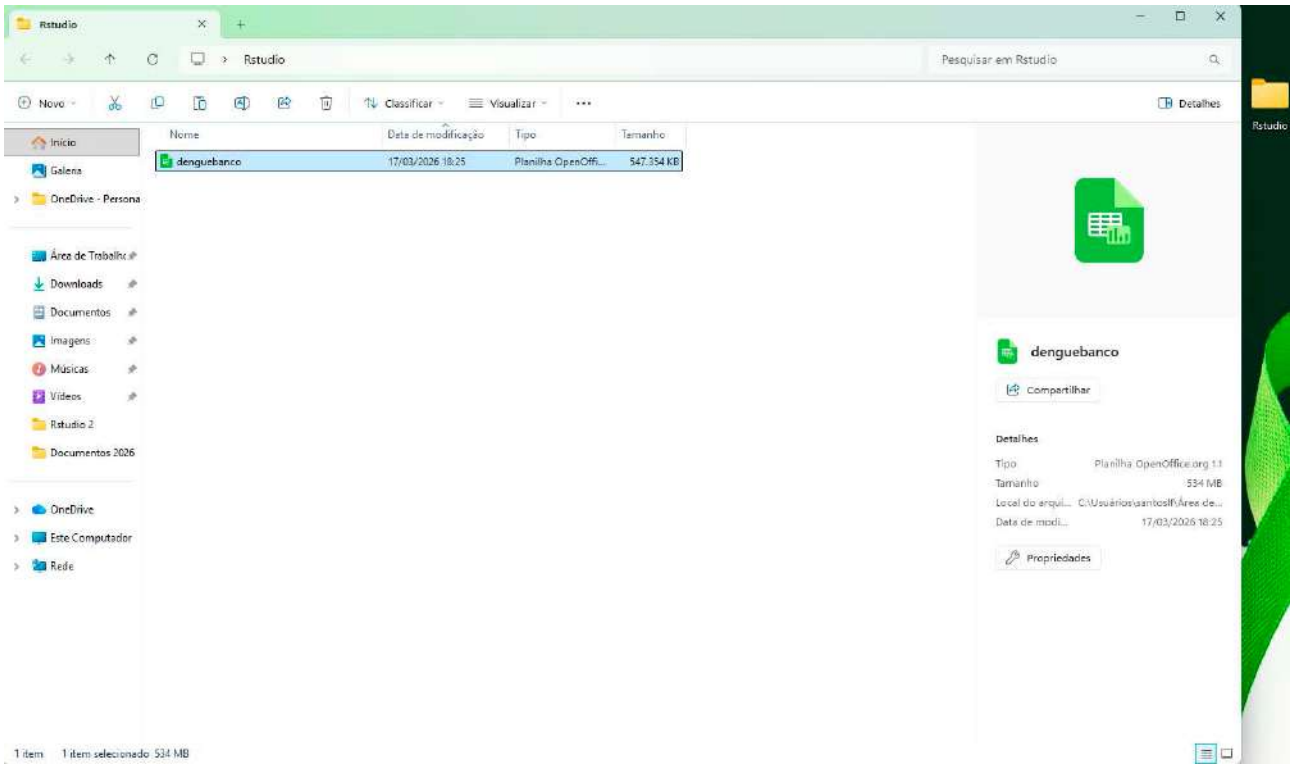
Baixe a base de dados da dengue em formato **DBF** por meio do SINAN Online.

Em seguida:

1. Crie uma pasta denominada Rstudio na Área de Trabalho do computador.
2. Salve o arquivo DBF dentro desta pasta.
3. Renomeie o arquivo para: **denguebanco.dbf**

A estrutura deverá ficar semelhante ao exemplo abaixo:

Área de Trabalho
└── Rstudio
└── denguebanco.dbf



5. Configuração do Caminho de Acesso

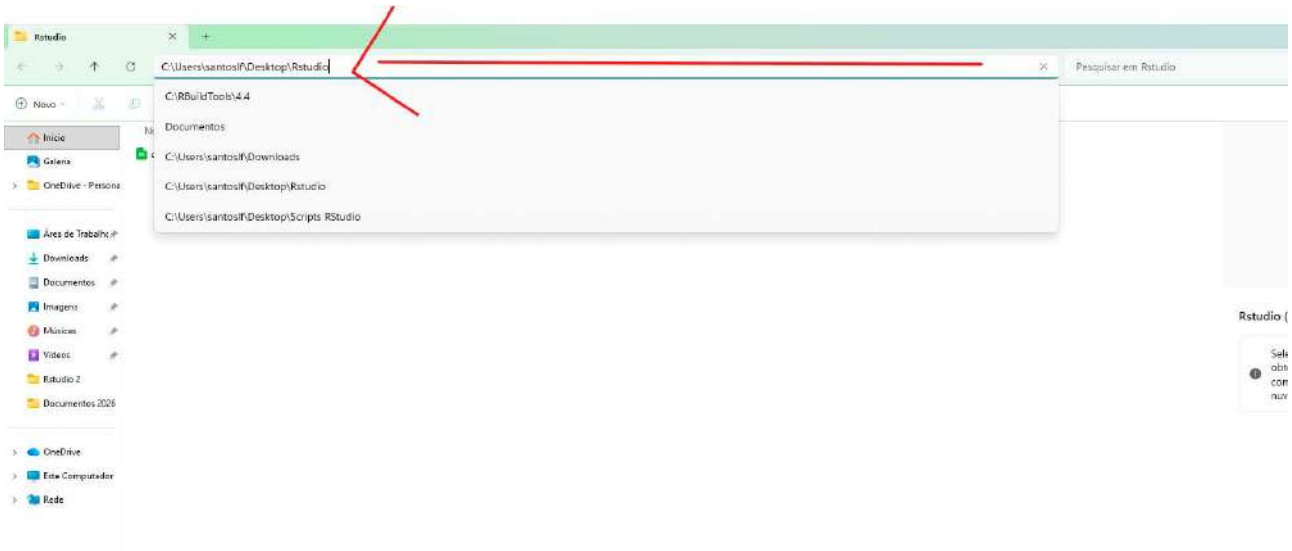
O script foi desenvolvido utilizando um nome de usuário específico. Portanto, será necessário substituir esse nome pelo usuário do computador em que o script será executado.

PARA IDENTIFICAR SEU USUÁRIO:

1. Acesse a pasta Rstudio criada na Área de Trabalho.
2. Clique na barra de endereço do Windows.
3. Localize o nome do usuário presente no caminho.

Exemplo: **C:\Users\santoslf\Desktop\Rstudio**

Nesse caso, o usuário é: **santoslf**



7. Substituição do Nome de Usuário no Script

NO RSTUDIO:

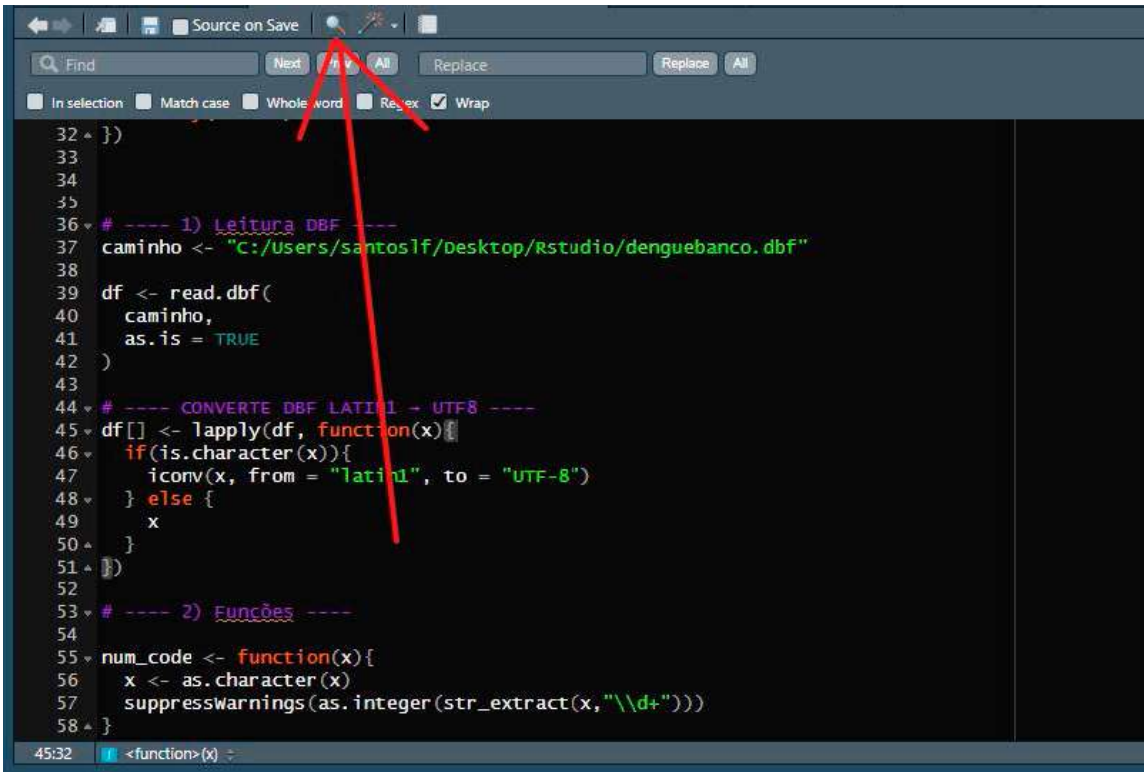
1. Clique no ícone de busca (lupa).

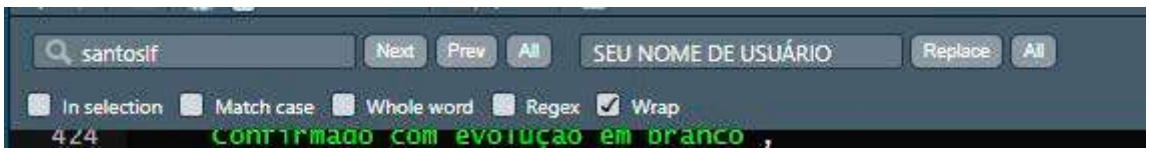
2. No campo **Find**, digite: **santoslf**

3. No campo **Replace**, informe o nome do usuário do seu computador.

4. Clique em **Replace All**.

Esse procedimento substituirá automaticamente todas as referências ao usuário original no script.





Desta forma, irá substituir no script todos os locais no Script onde precisa estar o nome de usuário correto.

7. Execução do Script

Após realizar a substituição:

1. Selecione todo o conteúdo do script.

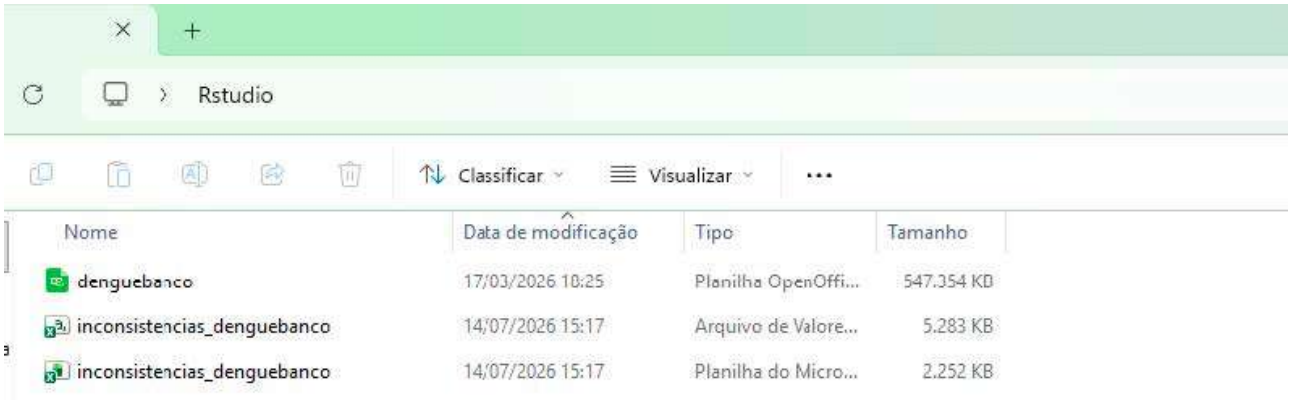
2. Clique em **Run**.

O processamento poderá levar alguns minutos, dependendo do tamanho da base de dados.

Enquanto o botão **Stop** estiver visível no Console do RStudio, significa que o script ainda está em execução.

Aguarde a conclusão do processamento antes de fechar o programa.

Desta forma, irá rodar o script, o script demora alguns minutos para rodar, enquanto aparece este símbolo de **"Stop"** no canto do console, é porque está rodando ainda.



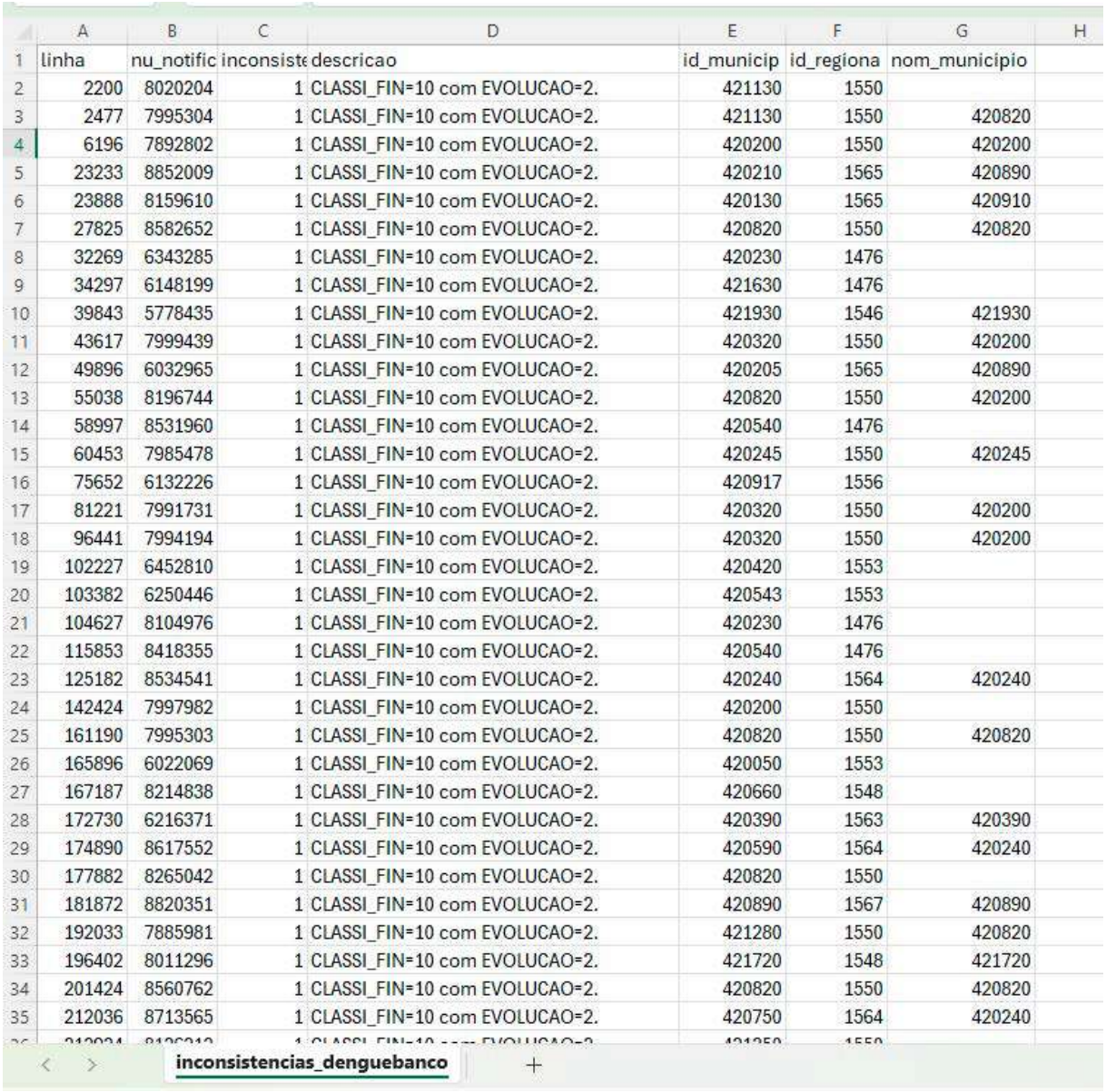
8. Arquivos Gerados

Ao final da execução, os resultados serão salvos automaticamente na pasta Rstudio criada na Área de Trabalho.

Serão gerados dois arquivos contendo exatamente as mesmas informações:

- Um arquivo em formato **.xlsx**;
- Um arquivo em formato **.csv**.

A única diferença entre eles é o formato de armazenamento.



	A	B	C	D	E	F	G	H
1	linha	nu_notific	inconsiste	descricao	id_municip	id_regiona	nom_municipio	
2	2200	8020204	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	421130	1550		
3	2477	7995304	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	421130	1550	420820	
4	6196	7892802	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420200	1550	420200	
5	23233	8852009	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420210	1565	420890	
6	23888	8159610	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420130	1565	420910	
7	27825	8582652	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420820	1550	420820	
8	32269	6343285	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420230	1476		
9	34297	6148199	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	421630	1476		
10	39843	5778435	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	421930	1546	421930	
11	43617	7999439	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420320	1550	420200	
12	49896	6032965	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420205	1565	420890	
13	55038	8196744	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420820	1550	420200	
14	58997	8531960	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420540	1476		
15	60453	7985478	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420245	1550	420245	
16	75652	6132226	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420917	1556		
17	81221	7991731	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420320	1550	420200	
18	96441	7994194	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420320	1550	420200	
19	102227	6452810	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420420	1553		
20	103382	6250446	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420543	1553		
21	104627	8104976	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420230	1476		
22	115853	8418355	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420540	1476		
23	125182	8534541	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420240	1564	420240	
24	142424	7997982	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420200	1550		
25	161190	7995303	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420820	1550	420820	
26	165896	6022069	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420050	1553		
27	167187	8214838	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420660	1548		
28	172730	6216371	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420390	1563	420390	
29	174890	8617552	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420590	1564	420240	
30	177882	8265042	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420820	1550		
31	181872	8820351	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420890	1567	420890	
32	192033	7885981	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	421280	1550	420820	
33	196402	8011296	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	421720	1548	421720	
34	201424	8560762	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420820	1550	420820	
35	212036	8713565	1	CLASSI_FIN=10 com EVOLUCAO=2.	420750	1564	420240	

inconsistencias_denguebanco

9. Interpretação dos Resultados

O relatório gerado apresenta todas as inconsistências identificadas na base de dados.

Entre as principais colunas disponíveis estão:

- **NU_NOTIFIC:** número da notificação;
- **INCONSISTÊNCIA:** tipo de inconsistência identificada;
- **DESCRICAO:** descrição resumida das variáveis utilizadas para identificação da inconsistência;
- **ID_MUNICIP**: código do município de notificação;
- **ID_REGIONA:** código da Regional de Saúde.

Para interpretação dos resultados, recomenda-se consultar o Dicionário de Inconsistências, também disponibilizado no Google Drive da GEZOO.

Com base nas inconsistências identificadas, cada Regional de Saúde poderá encaminhar aos municípios a relação de registros que necessitam de correção ou atualização no banco de dados da dengue.

10. Documentação Complementar

Os seguintes documentos encontram-se disponíveis no Google Drive da GEZOO para apoio à análise:

- Script de Inconsistências da Dengue;
- Dicionário de Inconsistências;
- Dicionário de Dados do SINAN.

Em caso de dúvidas sobre a definição de uma inconsistência específica, recomenda-se consultar primeiramente esses documentos de referência.

Elaborado por: Luis Felipe dos Santos
Revisão: Patrícia Pozzo
Diagramação: Alex Martins
Atualizado em: 29/07/2026